

REŠITVE

1. naloga

Reševanje: Iskanje v pubmedu, vpis hantavirus, za hitrejše iskanje lahko z advanced iskalnikom iščeš: (*hantavirus*) AND (*host[Text Word]*).

Rešitev: Hantavirus se prenaša iz glodalcev na ljudi. Primer članka: A pan-European assessment of multi-sector drivers of human hantavirus risk: climate, biodiversity, and socio-economic factors as key determinants, doi: <https://doi.org/10.1016/j.envres.2026.124282>

2. naloga

Reševanje: v uniprotu poiščeš proteine za ANDV, s pBLAST poiščeš podobne aminokislinsko zaporedje s filtrom za Orthohantavirus puumalaense, za štiri proteine tega virusa, ki so označena s *UniProtKB reviewed (Swiss-Prot)*. Za sekvenco, ki je podobna, s pBLASTom preveriš, če dobiš nazaj isti protein za ANDV.

Rešitev: Non-structural protein NS-S. Deluje kot antagonist, ki zavira celični imunski odziv. / Ali bolj natančen odgovor. (Uniprot accession code: Q80DP8)

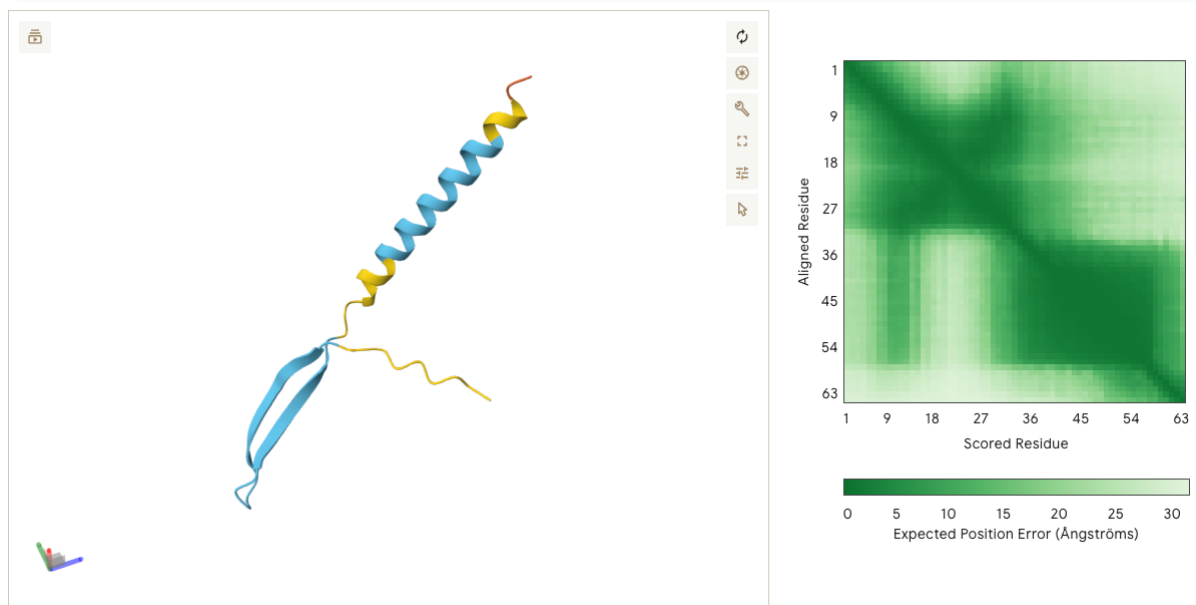
3. Naloga

Rešitev: Envelopment polyprotein, Nucleoprotein, RNA-directed RNA polymerase L

4. Naloga

Reševanje: v uniprotu pod razdelkom sequence naložiš aminokislinsko zaporedje, ter ga prilepiš v Alphahold3.

Rešitev:



5. Naloga

Reševanje: v odgovoru navedeš strukture iz slike, ki so označene z bravo, ki predstavlja nizek pIDDT (rumena in oranžna).

Rešitev: Slabše določeni deli strukture so zanka med elementoma sekundarne strukture in N- in C-končni deli proteina. Ti deli so običajno bolj fleksibilni oziroma neurejeni in zato nimajo stabilne tridimenzionalne konformacije. Zaradi večje gibljivosti in manjše količine evolucijskih ter strukturnih informacij jih AlphaFold 3 napove z nižjo zanesljivostjo. / ali podoben odgovor.