

Rešitev naloge

Na prvem delu dobimo plazmid z vključkom in brez vključka. Postopek je lahko preprosta poravnava z visokim gap opening penaltyjem in brute force preverjanje kombinacij (jih je samo 10). Druga opcija je programska poravnava. Tretja opcija je selectanje robov v VSC označi enako zaporedje v drugem fragmentu.

Je pa vključek gen za človeški rastni hormon, izolirali bi ga z Ni afinitetno kromatografijo

Ponavadi bi ga našli v sekretornih veziklih ali golgiju ampak ker ima odstranjen signalni peptid bi ga v celici našli samo v citoplazmi!

Nista homologa, poravnava je zelo slaba, imata pa podobno strukturo, zato se je AI zmotila in dala prijatelju napačen protein

Zadnji del 0.0486 nardit je blo treba python skripto ki iterira čez vsako vsak triplet in na vsakem tripletu pogleda vse mutacije in sešteva mutacije v STOP kodone, nakoncu pa se deli s številom vseh možnih mutacij ($3 * \text{dolžina nt}$)